

Supplementary Table 5. 45 recurrent and functionally recurrent

5p gene	3p gene
AK311167/LOC100132352	PPP1R1B
CDK12	FBXL20
CDK12	PPM1E
CKS1B	SHC1
CLTC	LOC645638
FBXL20	GDPD5
FBXL20	MIEN1
FBXL20	MYO1D
FBXL20	SIRT6
FRG1B	PPP1R1B
GAB2	MYO7A
GAB2	PLXDC1
HOOK1	RAB6A
JUP	CTSD
KANSL1	ARL17A
KDM2A	EVI2A
KDM2A	RHOD
KDM2A	RPS6KB2
KRT19	CTSD
KRT19	CTSZ
LOC100288778	DGAT2
LOC440434	RSF1
MRPL27	TMEM99
NARS2	PLXDC1
NPEPPS	RSF1
RARA	MYO1D
RARA	NARS2
RARA	PCTP
RARA	PGAP3
RARA	PLXDC1
RARA	POLDIP2
RARA	PRR11
RARA	ZNF595/ZNF718
RARA	ZNF732/ZNF141
RNF169	CADM2-AS2

RNF169
RPRD2
SBF2
SLC22A20
STAT3
TEX2
TMEM123
WASH7P
ZFP91/ZFP91-CNTF

CBX1
SHC1
TMEM99
HORMAD1
PTRF
LOC645638
BC045769
DGAT2
RAB6A

ent gene fusions in hotspots from 62 TCGA breast cancer samples.

5p band	3p band
NA	17q12
17q12	17q12
17q12	17q22
1q21.3	1q21.3
17q23.1	17q23.1
17q12	11q13.4
17q12	17q12
17q12	17q11.2
17q12	NA
NA	17q12
11q14.1	11q13.5
11q14.1	17q12
NA	11q13.4
17q21.2	NA
17q21.31	17q21.31
11q13.2	17q11.2
11q13.2	11q13.2
11q13.2	11q13.2
17q21.2	NA
17q21.2	NA
NA	11q13.5
17q12	11q14.1
17q21.33	17q21.2
11q14.1	17q12
17q21.32	11q14.1
17q21.2	17q11.2
17q21.2	11q14.1
17q21.2	17q22
17q21.2	17q12
17q21.2	17q12
17q21.2	17q11.2
17q21.2	17q22
17q21.2	NA
17q21.2	NA
11q13.4	NA

11q13.4	17q21.32
1q21.3	1q21.3
NA	17q21.2
11q13.1	1q21.3
17q21.2	17q21.2
17q23.3	17q23.1
NA	17q21.31
NA	11q13.5
NA	11q13.4